

Frondosa boreal

Haya Europea

Fagus sylvatica

Familia: *Fagaceae*

Nombre científico: *Fagus sylvatica* L. (= *Castanea fagus* Scop.).

Nombre comercial: Haya, European beech, Common beech.

Distribución geográfica: Sur de Inglaterra, sur de Escandinavia, Dinamarca, Alemania, Benelux, Francia, Norte de España, Italia, Europa Central, Polonia, Balkanes y Sur de Rusia.

Lista de especies CITES: No incluida.

Aplicaciones: Carpintería interior. Mobiliario y ebanistería. Chapas decorativas y tableros contrachapados. Juguetes. Objetos deportivos.

Descripción de la madera

Densidad: 690-710-750 Kg/m³.

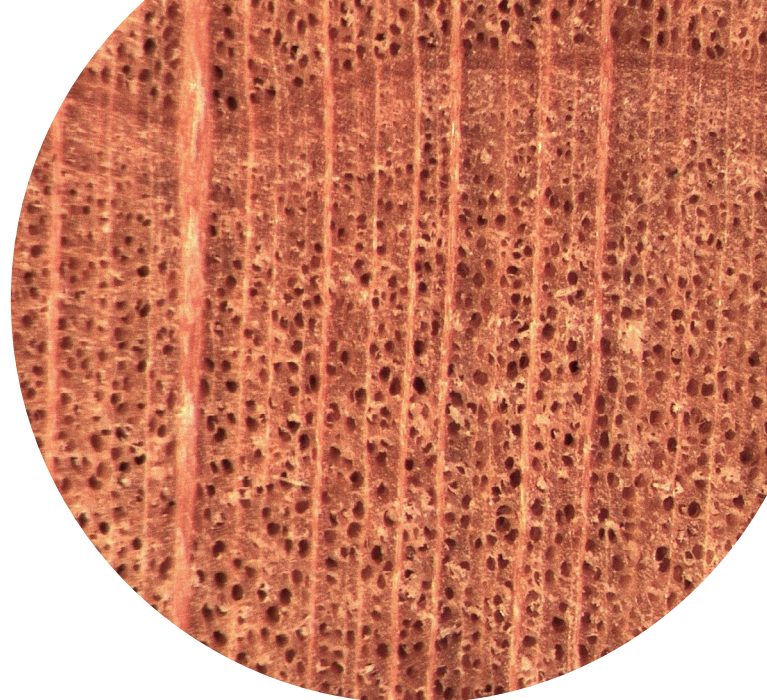
Color: Duramen y albura no diferenciados. De color blanco anaranjado a rosado.

Anillos de crecimiento: Diferenciados. La zona de madera temprana es mucho más ancha y de color más claro que la de madera tardía. Madera de porosidad difusa. Algunas veces se producen anillos porosos.

Vasos: Abundantes, de pequeño diámetro, generalmente reunidos en grupos de dos o tres unidades en la madera temprana y solitarios en la madera tardía. Madera de porosidad difusa. Algunas veces se producen anillos porosos.

Parénquima: Abundante, apotraqueal, distribuido en todo el anillo. También se distribuye en bandas o pequeños agregados dispersos. No visible.

Radios: En la sección transversal se pueden distinguir dos tipos de radios, unos finos, uniseriados y otros multiseriados, más anchos, formando espejuelos en la sección radial.



Fagus sylvatica (INIA985)

Técnicas de identificación

Anatómica: Posible a nivel de género *Fagus* spp.

Pruebas físicas y químicas: Prueba de saponificación positiva.

Genética: El genoma de esta especie ha sido secuenciado (Mishra *et al.* 2018; Mishra 2021) y hay al menos dos transcriptomas disponibles (Müller y col. 2017) y varios sets de datos provenientes de estudios de secuenciación masiva en el NCBI GeneBank (Clark y col 2016). Además, hay disponibles distintos marcadores moleculares (por ejemplo los microsatélites desarrollados por Pluess y col 2013), que están siendo empleados para el análisis genético de la especie. La reciente disponibilidad de la secuencia del genoma de su cloroplasto (Mader y col 2020) ha permitido desarrollar cuatro marcadores CAPS que permiten verificar la pertenencia de una muestra al género *Fagus*, pero no diferenciar entre sus especies.

Espectrométrica: No hay constancia de la existencia de modelos que permitan la identificación por esta técnica.



ISBN: 978-84-18508-76-9 / NIPO: 665-22-012-2