

2 - METODOLOGIA

2.1.- Esquema metodológico

En el desarrollo del trabajo se han seguido tres etapas. En la primera se localizaron los límites generales de la distribución de la especie utilizando para ello los datos moleculares y morfológicos obtenidos en el capítulo anterior, aplicados sobre los posibles extremos de su distribución.

En la segunda etapa se trataron de delimitar con precisión los límites de distribución y las zonas de contacto con otras especies del género. En este caso se aplicaron los marcadores moleculares anteriormente probados, en grupos de poblaciones procedentes de ambas vertientes del supuesto límite distribucional, independientemente de la morfología observada.

En la tercera fase se procedió al muestreo de poblaciones en el interior del área predefinida con objeto de estimar la superficie real ocupada. En este caso se utilizaron esencialmente caracteres morfológicos para la identificación de los adultos y de las larvas.

2.2.- Puntos de muestreo

Para el desarrollo de la primera fase se seleccionaron puntos extremos de muestreo: la región costera de Castellón y Valencia, las Sierras de Alcaraz (Albacete), la región alcarreña (Guadalajara) y Sierra Tejeda (Málaga - Granada).

En la segunda fase se escogieron diversas áreas montañosas en la región alicantina de Alcoy y Petrel, el extremo nororiental de la Sierra de Alcaraz, las estribaciones jienenses de Sierra Morena y los confines de las Serranía de Ronda.

En la tercera fase se procedió al recorrido de las Sierras de Cazorla, Segura, Alcaraz, Mágina, Nevada, Baza, Filabres, Gádor, Almirajara, Gorda y Tejeda.